

# CURS DE BIOINFORMÀTICA PER A LA RECERCA BIOMÈDICA

(2<sup>a</sup> edició de 2016)

**Horaris:** 4 sessions de 5h, els dies 12, 14, 19 i 21 de desembre de 2016, de 9 a 14h.

**Professorat:** Membres de la Unitat d'Estadística i Bioinformàtica (UEB) del VHIR.

**Lloc de realització:** Aula d'informàtica del Mòdul Sud de la Facultat de Medicina

**Places:** 18 (Pavelló Docent) de l'Hospital Universitari Vall d'Hebron.

## Continguts:

### 1. Introducció a la bioinformàtica:

*Els problemes que tracta la bioinformàtica.*

*Aplicacions de la bioinformàtica en biomedicina.*

### 2. Bases de dades en biologia molecular:

*Consulta en bases de dades.*

*Navegadors genòmics i BLAST.*

### 3. Introducció a les tecnologies de NGS:

*De Sanger a la NGS.*

*Aplicacions en biologia i biomedicina.*

### 4. Tractament de seqüències i cerca de variants:

*Pre-processat de seqüències.*

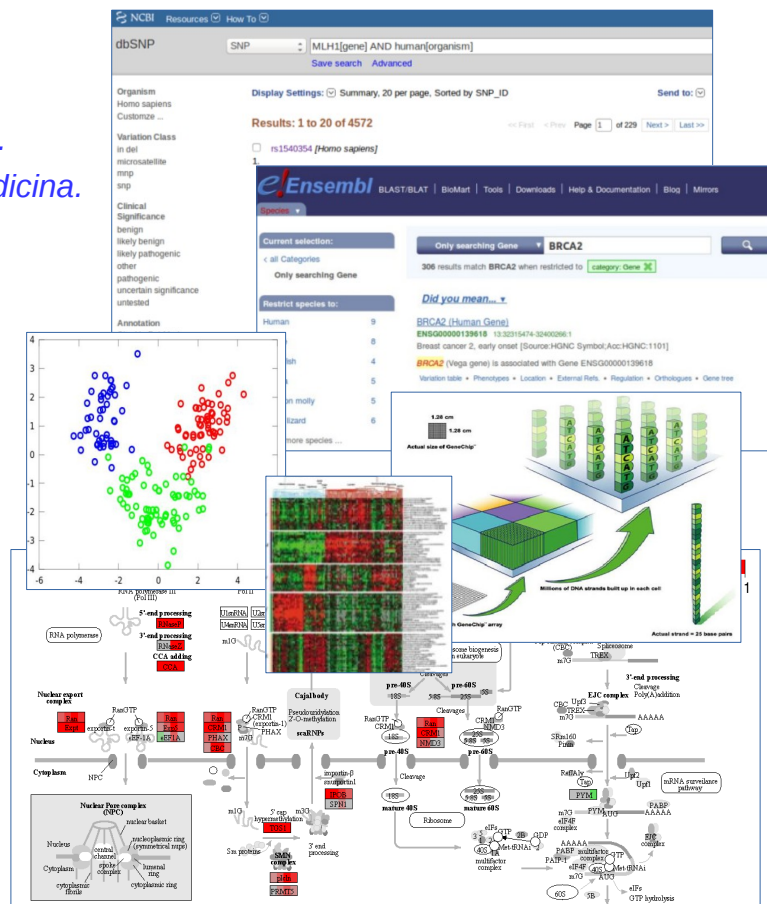
*Intro a l'anàlisi de variants.*

### 5. Anàlisi de dades d'expressió:

*Microarrays i RNA-seq.*

### 6. Anotació funcional:

*Anàlisi de significació biològica i IPA.*



## Quotes d'inscripció:

- Membres de Vall Hebron (VHIR/VHIO/HUVH) 130€
- Membres d'Esfera UAB o de Bioinformatics Barcelona 250€
- Altres 500€



Inscripcions i més informació a  
[www.vhir.org/porta1/cursos.asp](http://www.vhir.org/porta1/cursos.asp) i  
<http://ueb.vhir.org/2016Bioinfo2>

