

CURS DE BIOINFORMÀTICA PER A LA RECERCA BIOMÈDICA

Horaris: 4 sessions de 5h, els dies 2, 7, 9 i 14 de novembre de 2016, de 9 a 14h.

Professorat: Membres de la Unitat d'Estadística i Bioinformàtica (UEB) del VHIR.

Lloc de realització: Aula d'informàtica del Mòdul Sud de la Facultat de Medicina

Places: 18 (Pavelló Docent) de l'Hospital Universitari Vall d'Hebron.

Continguts:

1. Introducció a la bioinformàtica:

Els problemes que tracta la bioinformàtica.

Aplicacions de la bioinformàtica en biomedicina.

2. Bases de dades en biologia molecular:

Consulta en bases de dades.

Navegadors genòmics i BLAST.

3. Introducció a les tecnologies de NGS:

De Sanger a la NGS.

Aplicacions en biologia i biomedicina.

4. Tractament de seqüències i cerca de variants:

Pre-processat de seqüències.

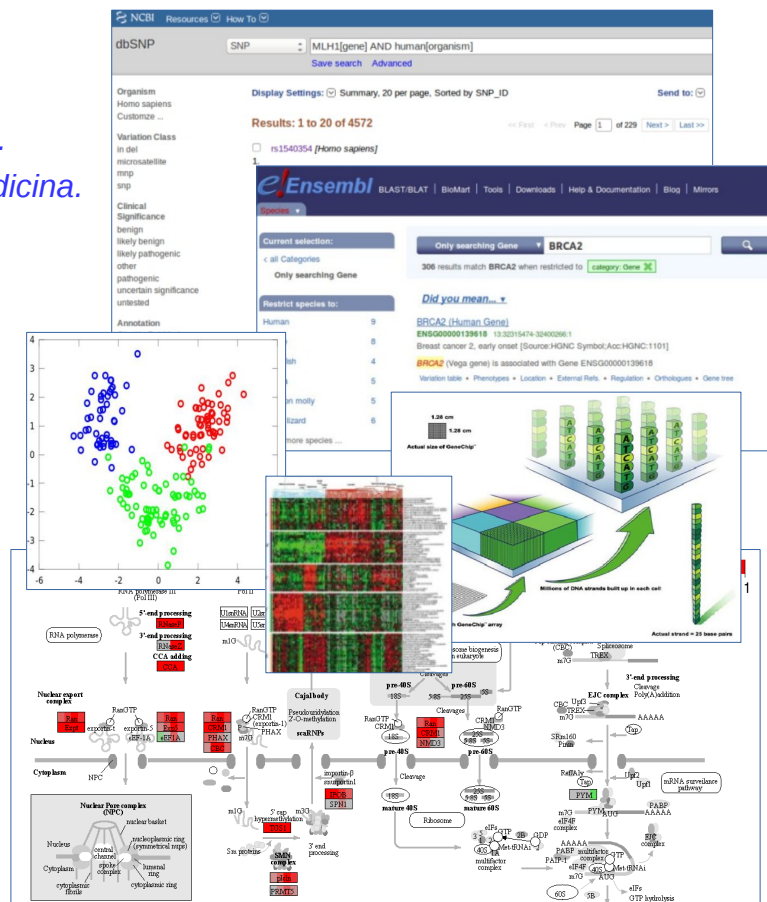
Intro a l'anàlisi de variants.

5. Anàlisi de dades d'expressió:

Microarrays i RNA-seq.

6. Anotació funcional:

Anàlisi de significació biològica i IPA.



Quotes d'inscripció:

- Membres de Vall Hebron (VHIR/VHIO/HUVH) 130€
- Membres d'Esfera UAB o de Bioinformatics Barcelona 250€
- Altres 500€



Inscripcions i més informació a
www.vhir.org/porta1/cursos.asp i
<http://ueb.vhir.org/2016Bioinfo>

